

Сведения об официальном оппоненте

Иванисенко Владимир Александрович, кандидат биологических наук, 03.01.03 – молекулярная биология, ведущий научный сотрудник, зав. лабораторией, Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук», г. Новосибирск.

Список основных публикаций по теме диссертации за последние 5 лет:

1. Alemasov N.A., Ivanisenko N.V., Medvedev S.P., Zakian S.M., Kolchanov N.A., Ivanisenko V.A. Dynamic properties of SOD1 mutants can predict survival time of patients carrying familial amyotrophic lateral sclerosis // J. Biomol. Struct. Dyn. 2017. V. 35. N 3. P. 645–656.
2. Popik O.V., Ivanisenko T.V., Saik O.V., Petrovskiy E.D., Lavrik I.N., Ivanisenko V.A. NACE: A web-based tool for prediction of intercompartmental efficiency of human molecular genetic networks // Virus Res. 2016. V. 218. P. 79–85.
3. Иванисенко Н.В., Жечев Д.А., Иванисенко В.А. Структурное моделирование мод связывания НАД⁺ с ПАРП-1 // Вавиловский журнал генетики и селекции. 2016. Т. 20. № 6. С. 857–862.
4. Иванисенко Н.В., Лаврик И.Н., Иванисенко В.А. Компьютерное моделирование пространственных структур пептидов из MUC 1, способных ингибировать апоптоз // Вавиловский журнал генетики и селекции. 2015. Т. 19. № 6. С. 731–737.
5. Alemasov N.A., Ivanisenko N.V., Ivanisenko V.A. Structural and dynamic properties of mutant SOD1 proteins associated with amyotrophic lateral sclerosis // Russian Journal of Genetics: Applied Research. 2015. V. 5. N 4. P. 348–353.
6. Ivanisenko N.V., Tregubchak T.V., Saik O.V., Ivanisenko V.A., Shchelkunov S.N. Exploring interaction of TNF and orthopoxviral CrmB protein by surface plasmon resonance and free energy calculation // Protein Pept. Lett. 2014. V. 21. N 12. P. 1273–1281.
7. Pintus S.S., Ivanisenko N.V., Demenkov P.S., Ivanisenko T.V., Ramachandran S., Kolchanov N.A., Ivanisenko V.A. The substitutions G245C and G245D in the Zn(2+)-binding pocket of the p53 protein result in differences of conformational flexibility of the DNA-binding domain // J. Biomol. Struct. Dyn. 2013. V. 31. N 1. P. 78–86.