

Отзыв

на автореферат диссертации Иголкиной Яны Петровны
«МОЛЕКУЛЯРНО-ГЕНЕТИЧЕСКИЙ АНАЛИЗ РИККЕТСИЙ,
ЦИРКУЛИРУЮЩИХ НА ТЕРРИТОРИИ ЗАПАДНОЙ СИБИРИ И ДАЛЬНОГО
ВОСТОКА», представленной на соискание ученой степени кандидата биологических
наук по специальности 03.01.03 – молекулярная биология

Клещевые риккетсиозы (КР) наряду с клещевым энцефалитом (КЭ), иксодовыми клещевыми боррелиозами (ИКБ), гранулоцитарным анаплазмозом и моноцитарным эрлихиозом человека (ГАЧ и МЭЧ) входят в число наиболее распространенных в России трансмиссивных инфекций. Риккетсиозы группы клещевой пятнистой лихорадки (КПЛ) представляют постоянно расширяющуюся группу инфекционных заболеваний, возбудители которых передаются человеку преимущественно иксодовыми клещами. Сибирский клещевой тиф (СКТ), вызываемый *Rickettsia sibirica* subsp. *sibirica* до недавнего времени считался единственным в России клещевым риккетсиозом. СКТ распространен на территории 17 субъектов РФ. Очаги СКТ с высокой эпидемической активностью охватывают южные районы Сибири, Приморье с его островной частью и Приамурье. По данным официальной регистрации за период 1998-2018 гг., 83,7% заболеваний приходится на семь субъектов РФ: Алтайский край – 42,6%, Республика Алтай – 8,3%, Хакасия – 7,0%, Красноярский край – 6,8%, Хабаровский край – 6,5%, Приморский край – 6,3% и Новосибирская область – 6,2% (Н.В. Рудаков и др., 2019). Применение молекулярных технологий позволило, кроме *R. sibirica*, выявить в иксодовых клещах другие виды риккетсий группы КПЛ (*R. conorii* subsp. *caspia*, *R. heilongjiangensis*, *R. sibirica* VJ-90, *R. slovacica*, *R. raoultii*, *R. aeschlimannii* и *R. helvetica*) и «предковой» группы *Candidatus R. tarasevichiae* как в очагах СКТ, так и на не эндемичных по этой нозологической форме территориях РФ (Rydkina E. et al., 1999; Шпынов С.Н. и др., 2001, 2005; Нефедова В.В. и др., 2008; Mediannikov O. et al., 2006; Рудаков и др., 2011; Бондаренко Е.И. и др., 2014 и др.). Однако эти исследования носили, в основном, скрининговый характер, не позволяющий объективно оценить превалирование тех или иных видов риккетсий,

В настоящее время, из-за отсутствия доступных методов молекулярной и серологической дифференциации риккетсий, все случаи КР в Сибири и на Дальнем Востоке России, вызываемые различными видами риккетсий (среди которых преобладает клещевой риккетсиоз, вызываемый *R. sibirica*), регистрируют под названием «сибирский клещевой тиф».

Автором разработана методика, основанная на проведении ПЦР с использованием родо- и видоспецифичных праймеров, для выявления ДНК риккетсий и идентификации наиболее распространенных на территории азиатской части России видов риккетсий, что имеет не только научную, но и практическую ценность.

Исследование большого объема фактического материала позволило получить статистически достоверные данные о распространении различных видов риккетсий на Дальнем Востоке и в Западной Сибири, а также их связи с определенными видами переносчиков. Несомненный интерес представляет впервые выполненное исследование клещей из отдаленных районов Сахалина и Камчатки, в результате которого установлено, что на острове Сахалин клещи *I. persulcatus* были достоверно чаще ($P < 0.001$) инфицированы *R. helvetica* по сравнению с "*Candidatus R. tarasevichiae*", тогда как во всех

остальных исследованных регионах *I. persulcatus* были достоверно чаще ($P < 0.001$) инфицированы "*Candidatus R. tarasevichiae*" по сравнению с другими видами риккетсий. Впервые изучено распространение и генетическое разнообразие риккетсий в клещах *I. pavlovskyi* и межвидовых гибридах *I. persulcatus/I. pavlovskyi* на территории Новосибирской области и республики Алтай в областях симпатрии клещей *I. persulcatus* и *I. pavlovskyi*, а также в клещах *I. trianguliceps* и *I. apronophorus* в Омской области.

Работа Иголкиной Я.П. выполнена на высоком современном методическом уровне. Положения, выносимые на защиту, соответствуют поставленной цели и задачам. Основные положения доложены на отечественных и международных конференциях и отражены в 6 печатных работах, включая 5 статей в международных изданиях, индексируемых в базах Web of Science и Scopus, и 1 в российском рецензируемом журнале, рекомендованном ВАК.

Заключение

Диссертация Иголкиной Яны Петровны «Молекулярно-генетический анализ риккетсий, циркулирующих на территории Западной Сибири и Дальнего Востока», представленная на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.01.03 – молекулярная биология является самостоятельным законченным научно-квалификационным исследованием, в котором содержится решение актуальной научной задачи - изучение видовой принадлежности и генетического разнообразия риккетсий, выявляемых в иксодовых клещах и в клинических образцах пациентов на территории Западной Сибири и Дальнего Востока.

По своей актуальности, методическому уровню исследований, новизне и практической значимости, полноте изложения диссертация Я.П. Иголкиной соответствует требованиям п. 9 Положения «О порядке присуждения ученых степеней», утвержденного Постановлением Правительства Российской Федерации от 24.09.2013 г. №824 (в редакции постановлений Правительства РФ от 30.07.2014 г. №723, от 21.04.2016 г. №335, от 02.08.2016 г. №748, от 29.05.2017 г. №650, от 28.08.2017 г. №1024, от 01.10.2018 г. №1168), а ее автор, Иголкина Яна Петровна, заслуживает присуждения ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.01.03 – молекулярная биология.

Ведущий научный сотрудник лаборатории зоонозных инфекций отдела природно-очаговых бактериальных зоонозов Федерального бюджетного учреждения науки «Омский научно-исследовательский институт природно-очаговых инфекций» Роспотребнадзора, кандидат медицинских наук

Самойленко Ирина Евгеньевна

Адрес места работы: 644080, Омская область, г. Омск, пр. Мира, 7
Тел.: +7 (3812) 65 14 77, e-mail: samoilenko.irinasamoilenko@yandex.ru

Подпись кандидата медицинских наук Самойленко Ирины Евгеньевны заверяю:

специалист по кадрам ФБУН «Омский научно-исследовательский институт природно-очаговых инфекций» Роспотребнадзора

Л.М. Шерстюкова

«27» _____ 2019 г.

