

## **Сведения об официальном оппоненте**

**Максимов Даниил Александрович**, кандидат биологических наук, специальность 03.01.07 –молекулярная генетика, научный сотрудник, Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт молекулярной и клеточной биологии СО РАН, г. Новосибирск

Список основных публикаций по теме диссертации за последние 5 лет:

1. Максимов Д.А., Лактионов П.П., Белякин С.Н. Доменная регуляция экспрессии генов в районах интеркалярного гетерохроматина *Drosophila melanogaster* // 2013. – Т. 55. – №. 3. – С. 190–193.
2. Лактионов П.П., Максимов Д.А., Андреева Е.Н., Шлома В.В., Белякин С.Н. Генетическая система для мечения соматических и терминальных клеточных линий в гонадах *Drosophila melanogaster* // 2013. – Т. 55. – №. 3. – С. 185–189.
3. Laktionov P.P., White-Cooper H., Maksimov D.A., Beliakin S.N. Transcription factor comr acts as a direct activator in the genetic program controlling spermatogenesis in *D. melanogaster* // 2014. – V. 48. – No. 1. – P. 153–165.
4. Maksimov D.A., Koryakov D.E., Belyakin S.N. Developmental variation of the SUUR protein binding correlates with gene regulation and specific chromatin types in *D. melanogaster* // Chromosoma. – 2014. – V. 123. – No. 3. – P. 253–264.
5. Posukh O. V., Maksimov D.A., Skvortsova K.N., Koryakov D.E., Belyakin S.N. The effects of SUUR protein suggest its role in repressive chromatin renewal during replication in *Drosophila* // Nucleus. – 2015. – V. 6. – No. 4. – P. 249–253.
6. Maksimov D.A., Laktionov P.P., Belyakin S.N. Data analysis algorithm for DamID-seq profiling of chromatin proteins in *Drosophila melanogaster* // Chromosom. Res. – 2016. – V. 24. – No. 4. – P. 481–494.
7. Posukh O. V., Maksimov D.A., Laktionov P.P., Koryakov D.E., Belyakin S.N. Functional dissection of *Drosophila melanogaster* SUUR protein influence on H3K27me3 profile // Epigenetics Chromatin. – 2017. – V. 10. – No. 1. – P. 56.
8. Maksimov D.A., Laktionov P.P., Posukh O. V., Belyakin S.N., Koryakov D.E. Genome-wide analysis of SU(VAR)3-9 distribution in chromosomes of *Drosophila melanogaster* // Chromosoma. – 2017. – P. 1–18.